

CONCORSO PUBBLICO, PER ESAMI, A N. 1 UNITÀ DI CATEGORIA D, POSIZIONE ECONOMICA D1, AREA TECNICA, TECNICO-SCIENTIFICA ED ELABORAZIONE DATI, PER LE ESIGENZE DEL DIPARTIMENTO DI MEDICINA MOLECOLARE E BIOTECNOLOGIE MEDICHE DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI NAPOLI FEDERICO II (COD. RIF. 2229), INDETTO CON DECRETO DEL DIRETTORE GENERALE N. 1007 DEL 19.10.2022 E PUBBLICATO SULLA GAZZETTA UFFICIALE IV SERIE SPECIALE – CONCORSI ED ESAMI N. 87 DEL 4.11.2022

QUESITI ESTRATTI ALLA PROVA ORALE DEL 18 GENNAIO 2023

Per le materie

- analisi di sottopopolazioni cellulari mediante citofluorimetria a flusso, fluorofori, proteine di membrana, anticorpi monoclonali, ciclo cellulare;
- conoscenze, competenze ed abilità nell'utilizzo di: citofluorimetri a flusso (FACS) e relativi software di analisi, tecniche di biologia cellulare, software per l'analisi di dati da esperimenti biologici;

sono stati estratti i seguenti quesiti:

- A1) Studio di strutture e organuli intracellulari: aspetti teorico-applicativi in citofluorimetria.
A2) Elaborazione tecnica: preparazione del campione e relativa analisi per lo studio di una struttura/organello intracellulare
A1) Studio di caratteri di malignità della cellula tumorale: basi teorico-applicative in citofluorimetria
A2) Elaborazione tecnica: preparazione del campione e relativa analisi per lo studio di caratteri di malignità della cellula tumorale

Per la prova di conoscenza della lingua inglese sono stati estratti i seguenti brani:

B) DOI: 10.1002/cyto.a.23724

Effective T cell activation requires interaction of the TCR-CD3 complex with the peptide: MHC complex on antigen-presenting cells, co-stimulatory signaling and cytokine support. Every effector/memory subset has unique characteristics which provide them with differential migratory capacity, longevity, and functionality.

B) DOI: 10.1002/cyto.a.24522

While traditional flow cytometry and gating strategies support premeditated identification of cells using a limited set of markers, discovery of novel tissue resident lymphocytes necessitates stable platforms that can handle larger sets of phenotypic markers and lends itself to unbiased clustering approaches.

**Per ordine del Presidente della Commissione
IL SEGRETARIO
F.to Fiorenza Fasano**